

La próxima semana se cierra el llamado para presentar trabajos de investigación para el 4to. Taller sobre los desafíos de la Biomédica y Bioinformática para la Ciencia de la Computación, el cual se llevará a cabo en Junio en Japón.

Científicos de la computación y las ciencias de todo el mundo se reunirán en junio, en la ciudad de Tsukuba, Japón, para discutir la orientación futura de los algoritmos bioinformáticos, aplicaciones y manejo de datos. En torno a este tema se espera recibir propuestas de trabajos de investigación hasta el 31 de enero.

La Bioinformática provee las bases para un rápido y fiable análisis de datos, proporcionando herramientas que han hecho posible el rápido progreso de aplicaciones genómicas, proteómicas, epidemiológicas y clínicas, entre otras. Pero en la actualidad, la mayoría de las herramientas estándar se ofrecen en la web y ya no son suficientes para análisis complejos o simulaciones en campos de investigación emergentes, como sistemas biológicos, análisis de imágenes, aplicaciones biomédicas y gestión de datos.

Por ello, en este taller se examinarán las últimas tendencias como el desarrollo de servicios basados en Grid y como las ciencias actuales necesitan usar de forma coordinada las herramientas de la bioinformática, los bancos de datos biológicos y los datos clínicos del paciente, integrándoles perfectamente, preservando la privacidad y controlando el intercambio.

Durante el desarrollo del taller “El Ascenso a la Excelencia Computacional en la Tierra del Sol Naciente”, que tendrá lugar del 1 al 3 de junio, se debatirán interrogantes como si los servicios Grid y Web serán capaces de soportar estas nuevas necesidades científicas, con aplicaciones más complejas y un volumen cada vez mayor de manejo de datos.

El uso de de arquitecturas paralelas y hardware dedicado para implementar algoritmos bioinformáticos y biomédicos será otro punto central de las discusiones.

Papers

Algunos de las temáticas en las que están específicamente interesados son: secuencia y estructura bioinformática; sistemas biológicos; análisis de imágenes biomédicas;

simulación biomédica; manejo, integración y visualización de datos; aplicaciones distribuidas de biomédica; computación de alto rendimiento y computación peer-to-peer.

Mayor información en:

<http://staff.icar.cnr.it/cannataro/iccs2011/>

<http://www.iccs-meeting.org/>

Los organizadores del taller están buscando trabajos de investigación originales, que presenten soluciones innovadoras de arquitecturas paralelas, distribuidas y Grid, aplicadas a algoritmos bioinformáticos y científicos.